



**A Pécsi Tudományegyetem, Szentágothai János Kutatóközpont, Prof. Dr. Jakab Ferenc (képünkön)**

**vezette Virologiai kutatócsoportjának, valamint a kutatóközpont, Dr. Gyenesei Attila vezette Bioinformatikai kutatócsoportjának együttműködésében elsőként sikerült hazánkban meghatározni a koronavírus teljes genetikai kódját.**

Ez egy fontos mérföldkő a további hazai és nemzetközi kutatások elősegítésére – jelentette ki **Prof. Dr. Jakab Ferenc**

, virológus. „Engem ért az a megtiszteltetés hogy hazánkban a Koronavírus Kutató Akciócsoportot vezessem, amelynek célja a vírus jobb megismerése: fertőzési és terjedési mechanizmus vizsgálata, lehetséges prevenciós lépések felderítése, valamint hatékony gyógyszer és gyógymódok későbbi kifejlesztése. A mostani eredmény is egyértelműen jelzi, hogy az ilyen jellegű szakmai összefogások meghozhatják a várt sikert hazánkban is.” – tette hozzá a professzor.

A pécsi Virologiai kutatócsoport, Dr. Kemenesi Gábor irányításával, első lépésként közvetlenül egy magyar fertőzött beteg garatváladékának mintáját a nemzetközi protokoll alapján dolgozta fel. Ezt követően a központ Genomikai és Bioinformatikai laboratóriumának munkatársai, **Urbán Péter**

és  
**Tóth Gábor Endre**

, új generációs szekvenálási technológiát alkalmazva határozta meg a vírus genetikai kódját. A nagy mennyiségű adat feldolgozását és elemzését a Bioinformatikai kutatócsoport munkatársa, **Dr. Herczeg Róbert** végezte.

A kutatócsoportok szoros együttműködése és a kidolgozott eljárás lehetővé teszi, hogy a teljes munkafolyamatot hazánkban a lehető leggyorsabban lehessen elvégezni a további igazoltan pozitív minták esetén is a Pécsi Tudományegyetem Szentágotthai János Kutatóközpontjában.

*Forrás: PTE*

*{jcomments off}*